



SERVICIOS

CONTACTO

RFC. KLI200622TM4
CALLE SÉPTIMA A1, 325 , LOCAL 11 PLANTA ALTA,
SANTA GERTRUDIS COPO, MÉRIDA, YUCATÁN
MÉXICO, 97305.

WWW.KLINICSYNC.COM
CONTACTO@KLINICSYNC.COM



NACIMOS EN EL 2020 CON EL DESEO DE BENEFICIAR CON PRUEBAS DE SECUENCIACIÓN GENÉTICA Y GENÓMICA ESPECIALIZADOS EN ONCOLOGÍA CON LAS TÉCNICAS MÁS INNOVADORAS.

Somos una empresa mexicana.

Dedicada a la promoción, comercialización, distribución y operación logística de pruebas oncológicas de diagnóstico molecular.

Contamos con más de 8 años de experiencia en la industria de perfilamiento genómico, contamos con la acreditación para promoción de distintos laboratorios de perfilamiento genómico, tanto en América, como en Europa, para el beneficio de los médicos oncólogos y pacientes mexicanos que padecen cáncer.

El objetivo es aplicar el conocimiento, utilizar el networking, garantizar el acceso en mercado privado, proveerle a pacientes, oncólogos, mejores herramientas de diagnóstico en cáncer. Esto permite que aquellas personas que padecen cáncer tengan acceso a mejores alternativas a través de tratamientos personalizados y especializados, y con ello, a una mejor calidad de vida.

Entender el cáncer a nivel molecular puede conducir a mejores opciones de tratamiento. KlinicSync proporciona a los pacientes de cáncer y a los oncólogos información molecular fiable, de alta calidad y completa para cumplir la promesa de la medicina de precisión. En Klinicsync podemos ayudarte para realizar el servicio de perfilado de tumores de Caris Life Sciences, Pangea Oncology, Wren Laboratories e INVITAE, entre otros



En KlinicSync constantemente buscamos ampliar nuestras pruebas de diagnóstico, mejorar la salud de los pacientes.



CARIS OPCIONES DE PERFILADO TUMORAL

La información que figura a continuación detalla los biomarcadores analizados por tecnología para el tipo de tumor presentado. Antes de solicitar servicios de pruebas, consulte el menú de perfiles en línea (www.CarisLifeSciences.com/profiling-menu) para ver la lista más actualizada de biomarcadores que se realizarán. Las pruebas pueden variar si no se envían suficientes muestras del tumor.

Caris Life Sciences® realiza un perfil molecular integral para evaluar los biomarcadores, lo que ayuda a guiar decisiones de tratamiento más precisas e individualizadas para pacientes con cáncer.

PRUEBAS INTEGRALES DE MI PROFILE™



ADN

Secuenciación del exoma completo
SNV, Indels, CNA, cariotipado, virus



ARN

Secuenciación de transcriptoma completo
Fusiones génicas, expresión génica y transcripciones de variantes



Proteína

Inmunohistoquímica
Biomarcadores de proteínas relevante para el tumores

La prueba Caris GPSai™ se realiza para los casos de CUP y la prueba Caris FOLFIRTai™ se realiza para los casos de mCRC.

MI TUMOR SEEK HYBRID™ (solamente secuenciación de próxima generación)



ADN

Secuenciación del exoma completo
SNV, Indels, CNA, cariotipado, virus



ARN

Secuenciación de transcriptoma completo
Fusiones génicas, expresión génica
y transcripciones de variantes

La prueba Caris GPSai™ se realiza para los casos de CUP y la prueba Caris FOLFIRSTai™ se realiza para los casos de mCRC.

FIRMAS BASADAS EN IA

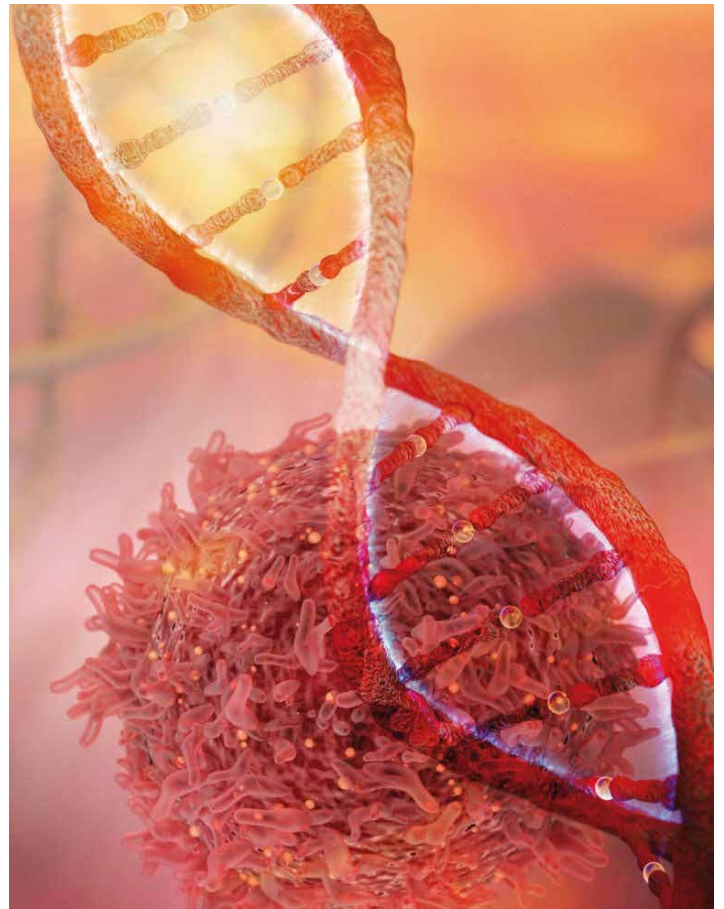
La prueba Caris GPSai™ se realiza para los casos de CUP y se puede agregar a cualquier pedido de tumor sólido seleccionando la casilla correspondiente en el formulario de solicitud de Caris. La prueba Caris FOLFIRSTai™ se realiza para todos los casos de mCRC.

Caris GPSai™

Evaluación de similitud del tipo de cáncer destinada a ayudar a identificar el tumor de origen mediante la comparación de las características moleculares del tumor del paciente contra 90 categorías de tumor de la base de datos Caris.

Caris FOLFIRSTai™

Predicador de respuesta a la quimioterapia destinado a medir la probabilidad de beneficio de un paciente con mCRC con FOLFOX + BV de primera línea seguido de FOLFIRI + BV, en comparación con FOLFIRI + BV seguido de tratamiento con FOLFOX + BV.



PRUEBAS MOLECULARES EN MUESTRAS DE TEJIDO TUMORAL

 ESTUDIOS COMBINADOS.

<p>CS-T-001</p>	<p>TUMOR SÓLIDO (Recomendado para PULMÓN, MELANOMA, MAMA y otros tumores sólidos) CS-T-001 NGS Somatic QIAsq DNA Custom Extended Panel (30 genes) Genes: ALK, ARID1A, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FAT1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MET, MYC, NFE2L2, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, POLD1, POLE, RET, ROS1, SETD2, STK11, TP53 nCounter RNA Fusion and Gene Expression Tumor Panel* Fusions: ALK, FGFR1,2,3, NRG1, NTRK1, RET, ROS1 Splicing variant: EGFRvIII, METΔ14 Gene expression analysis: ALK, ATM, BARD1, BID, BRCA1, BRCA2, CCNE1, CD274, CD4, CD8A, CDK2, EGFR, FGFR1,2,3, FOXP3, GZMM, IFNG, KRAS, NRG1, NTRK1,2,3, PDCD1, PTEN, RET, ROS1, STK11, TP53</p>
<p>CS-T-002</p>	<p>CS-T-002 Estudio combinado CS-T-001 and PD-L1 IHC</p>

*El Panel de Tumores Sólidos nCounter RNA Pangaea podría ser sustituido por el Panel de Pulmón NGS RNA Fusion XP (consultar precios)

CS-T-003	<p>Estudio carcinoma UROTELIAL CS-T-003 NGS Somatic QIAseq DNA Custom Extended Panel (30 genes) nCounter RNA Fusion Urothelial Carcinoma Panel Fusions: FGFR2 and FGFR3 Identificación de variantes: FGFR2-BICC1, FGFR2-CASP7, FGFR3ex17-TACC3ex10 FGFR3ex17-TACCex11, FGFR3-BAIAP2L1</p>
CS-T-004	<p>Estudio COLON CS-T-004 Secuenciación KRAS, BRAF, NRAS (NGS Custom Panel) (19 genes) Genes: ALK, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, ROS1, STK11, TP53 Estado de la reparación del emparejamiento múltiple (MMR) (IHC) Genes: MLH1, MSH2, MSH6, PMS2</p>
MS-T-001	<p>Estudio GIST Secuenciación c-KIT, PDGFR (NGS Custom Panel) (19 genes) Genes: ALK, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, ROS1, STK11, TP53</p>

PANELES MOLECULARES MULTIGÉNICOS

MS-T-002	<p>Panel personalizado NGS somatic QIAseq DNA Breast-Gynecological (11 genes). Genes: AKT, BRCA1, BRCA2, CTNNB1, ERBB2, ESR1, PALB2, PIK3CA, POLE, PTEN, TP53</p>
MS-T-003	<p>NGS Somatic QIAseq DNA Custom Extended Panel (30 genes) Genes: ALK, ARID1A, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FAT1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MET, MYC, NFE2L2, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, POLD1, POLE, RET, ROS1, SETD2, STK11, TP53</p>
MS-T-004	<p>NGS RNA Fusion XP Lung Panel (13 genes) Fusions: ALK, BRAF, EGFR, FGFR1,2,3, MET, NRG1, NTRK1,2,3, RET, ROS1 Splicing variant: METΔ14</p>
MS-T-005	<p>NGS Somatic QIAseq DNA Repair Genes Panel (28 genes) Genes: APC, ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EPCAM, FANCA, MLH1, MRE11A, MSH2, MSH6, MUTYH, NBN, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53</p>
MS-T-006	<p>nCounter RNA Fusion and Gene expression Tumor Panel Fusions: ALK, FGFR1,2,3, NRG1, NTRK1, RET, ROS1 Splicing variants: EGFRvIII, METΔ14 Gene expression analysis: ALK, ATM, BARD1, BID, BRCA1, BRCA2, CCNE1, CD274, CD4, CD8A, CDK2, EGFR, FGFR1,2,3, FOXP3, GZMM, IFNG, KRAS, NRG1, NTRK1,2,3, PDCD1, PTEN, RET, ROS1, STK11, TP53</p>

MS-T-007	nCounter RNA Pangaea Urothelial Carcinoma Panel Fusions: FGFR2 and FGFR3 Identificación of the variants: FGFR2-BICC1, FGFR2-CASP7, FGFR3ex17-TACC3ex10, FGFR3ex17-TACCex11, FGFR3-BAIAP2L1
MS-T-008	PROSIGNA Firma de pronóstico genético del cáncer de mama

PRUEBAS MOLECULARES EN BIOPSIA LÍQUIDA.

ESTUDIOS COMBINADOS.

CS-BL-001	CS-BL-001 (Recomendado para todo tipo de tumores) NGS Somatic QIAseq DNA Custom Panel (19 genes) Genes: ALK, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, ROS1, STK11, TP53 nCounter RNA Fusion Solid Tumor Panel for liquid biopsies (6 genes) *Fusions: ALK, NRG1, NTRK1, RET, ROS1 Splicing variants: MET Δ 14 *Fusiones más frecuentes
-----------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

PANELES MOLECULARES MULTIGÉNICOS.

MS-BL-001	NGS Somatic QIAseq DNA custom Panel (19 genes) Genes: ALK, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, ROS1, STK11, TP53
MS-BL-002	NGS Somatic QIAseq DNA custom extended Panel (30 genes) Genes: ALK, ARID1A, BRAF, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ERBB4, FAT1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MET, MYC, NFE2L2, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, POLD1, POLE, RET, ROS1, SETD2, STK11, TP53
MS-BL-003	N-COUNTER RNA Pangaea Solid Tumor Panel for Liquid Biopsies (6 genes) Rearrangement*: ALK, ROS1, RET, NTRK1, NRG1 Splicing variants: MET Δ 14 *More frequently rearrangements
MS-BL-004	NGS Somatic QIAseq DNA Breast-Gynecological custom Panel (11 genes) Genes: AKT, CTNNB1, ERBB2, ESR1, PALB2, PIK3CA, POLE, PTEN, TP53

PRUEBAS MOLECULARES DE LÍNEA GERMINAL ASOCIADAS A PREDISPOSICIÓN HEREDITARIA

 **PANELES MOLECULARES MULTIGÉNICOS.**

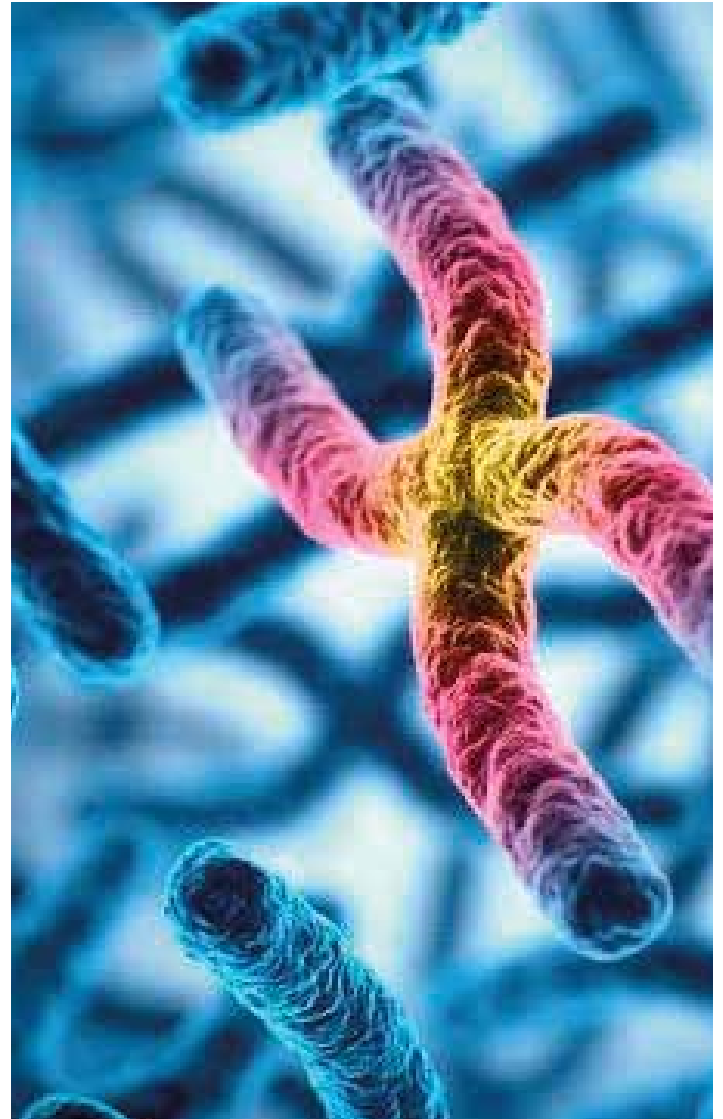
MS-G-001	<p>NGS Somatic QIAsq Inherited Cancer Panel (28 genes, germline) Genes: APC, ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EPCAM, FANCA, MLH1, MRE11A, MSH2, MSH6, MUTYH, NBN, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53</p>



INVITAE

PANEL MULTICANCER DE INVITAE

Analiza genes asociados principalmente con condiciones de predisposición al cáncer de aparición en la edad adulta y no sindrómicas en los principales sistemas de órganos, incluidos, entre otros: mama, ginecológico (ovario, útero/endometrio), gastrointestinal (colorrectal, gástrico, pancreático), endocrino (tiroides, paratiroides, glándulas suprarrenales e hipófisis), genitourinario (riñón/vías urinarias, próstata), piel (melanoma, carcinoma de células basales) y sistema nervioso/cerebral. La heterogeneidad genética asociada a estos cánceres puede dificultar el uso del fenotipo como único criterio para identificar una causa definitiva. Algunos genes incluidos en esta prueba también pueden estar asociados con otras condiciones no relacionadas, que no están incluidas en la lista de trastornos evaluados.



Las pruebas genéticas de estos genes pueden ayudar a confirmar un diagnóstico clínico, predecir el pronóstico y la progresión de la enfermedad, facilitar la detección temprana de síntomas, informar la planificación familiar y el asesoramiento genético, o fomentar la participación en ensayos clínicos.

Esta prueba está diseñada específicamente para mutaciones germinales heredables y no es apropiada para la detección de mutaciones somáticas en tejido tumoral.

PANEL PRIMARIO

AIP	ALK	APC	TATM	AXIN2	BAP1	BARD1	BLM	BMPR1A	BRCA1
BRCA2	BRIP1	CDC73	CDH1	CDK4	CDKN1B	CDKN2A	CHEK2	CTNNA1	DICER1
EGFR	EPCAM	FH	FLCN	GREM1	HOXB13	KIT	LZTR1	MAX	MBD4
MEN1	MET	TMITF	MLH1	MSH2	MSH3	MSH6	MUTYH	NF1	NF2

PANEL PRIMARIO

NTHL1 RAD51C SMARCA4	PALB2 RAD51D SMARCB1	PDGFRA RB1 SMARCE1	PMS2 RET STK11	POLD1 SDHA SUFU	POLE SDHAF2 TMEM127	POT1 SDHB TP53	PRKAR1A SDHC TSC1	PTCH1 SDHD TSC2	PTEN SMAD4 VHL
----------------------------	----------------------------	--------------------------	----------------------	-----------------------	---------------------------	----------------------	-------------------------	-----------------------	----------------------

WREN[®]

Laboratories

NETest

PROCESO DE PRUEBA NETEST[®]

NETest es una prueba novedosa que utiliza una muestra de sangre para ayudar a los médicos a gestionar la atención de los pacientes con tumores neuroendocrinos. Cuando se usa junto con una evaluación clínica estándar, el NETest puede ayudar a informar a su médico sobre un correcto diagnóstico de enfermedad neuroendocrina el riesgo de actividad de su enfermedad tumoral (enfermedad mínima residual).

Adicionalmente NETest PPR brinda un diagnóstico complementario para predecir la respuesta terapia con radionucleidos de receptores de péptidos - PRRT



KlinicSync



SERVICIOS

CONTACTO

RFC. KLI200622TM4
CALLE SÉPTIMA A1, 325 , LOCAL 11 PLANTA ALTA,
SANTA GERTRUDIS COPO, MÉRIDA, YUCATÁN
MÉXICO, 97305.

WWW.KLINICSYNC.COM
CONTACTO@KLINICSYNC.COM